

1/1

ger syn : 20 40 60 80 100 83
4S-lim : MALKVLSVATQMAIPSNLTTCLOPSHFKSSPKLLSSSHSSSRSLRVYCS--SSQLTERRSGNPNPSRWDVNFICSLSDYKEDKHVIRASELVTIAVK : 97
1,8-cin : MSSLIMQVVIIPKPAKIFHNNLFSVISKEHRFSTITITRGRGWAHCSLQMGNEIQOTGRRTGGXQPTLWDFSTIQLFDSEYKEKHLMAAGMIAQVN : 96

ger syn : 120 140 160 180 200 169
4S-lim : KLORNDTESVEKIKLIDNIQOLGIGCYFFEDAFNAVIRSPFSTGE-----EDLTAAALRFRLLRHNGTEISPEIFLKFKEBGRG-KFDE---SBLIG : 196
1,8-cin : MELEKETDOIROLELIDDLQRMGLSDHFQNEFKELLSIYLDHHYKPNFPKEERDLXSTSLAFRLREHGFOVAQEVFDSFKNEEG-EFKESLSDDFRG : 190
MLLOEVDLSIORLELIDDLRRIGISCHFDREIVEIINSKYTNN-----EIDESDLYSTAIRFKLLROYDESVSQEVFDCENKDKGTFDFPSLVDTRG : 190

ger syn : 220 240 260 280 300 267
4S-lim : LLSYEASNLGVAGEEIEEAMEFARERIRSLSEP--AAPLHGEVAQALDVERHLRWARLEARRFIEQYCKQSDHGDGDLLELALLDYNOVQAQHQSEHT : 296
1,8-cin : LLQLYEASFLLTEGETTLESAREFATKFLBEKKNEGGVGDILITPLAYSLLDIPLHWRIKRPNAPVIEWPKRPDMPNPEVLELALIDLNIVQAQFQOEIK : 289
LLQLYEASFLLSAQGEETHLARDFATKFLHKKRLVD-KDINLLSSIERALELPTHWRVQMPENARSEIDAYKRRPDNPNPTVLELAKIDFNWQAQFQOEIK : 289

ger syn : 320 340 360 380 400 367
4S-lim : EIIIRWVKELGIADVDKLSFGQRDRPLECFLWTVGLLPEPKYSSVRIEAKAISILLVDDIDFDITYGEMDDLILLETDAIRRDLEAMEGLPEYMKTCYMALYNT : 396
1,8-cin : ESFRWRNTGFVEKLPFARDRLVECYFWNTGIIIEPRQHASARIMGKVNALITVIDDIYDVYGTIEELEQETDLIRWDINSIDQLPDYMQLCFLALNNF : 389
EASRWNNSTGCVHELFPFVDRIVECYWTTGVERRCHGYERIMLIKINALVTIDVEDIYGHLEELQLETTAIOERWDIESMKQLPPNMOICYLAENF : 389

ger syn : 420 440 460 480 500 467
4S-lim : TNEVCYKVLRTGRIVLINLKSTWIDMIEGFMEEAKEWFGGSAKLEEXTENGVSSTAAYMAFAHFFLLICEGVTHQNSQLFTOKPYPKVPSAAGRIRL : 494
1,8-cin : VDDTSYDMKEKGVNVIPIYLRQSVVDLADKYMVEARWYFGCHKPSLEXYLENWSQSTSGPCMLTHIFFRVTDSFTKET--VDSLKYKHDLVRWSSFVRL : 487
VNEWAYDTLRCKGFNSTPYLRKAWVDLVESVLEAKWYMGHKESLEEXMKNSWISIGGIPILSHLEFRITDSIEED--AESMHKYHDIYRASCTILRL : 487

ger syn : 520 540 560 580 600 563
4S-lim : WDDLGTAKEEOERGDASCQVLFMKESLITEEARSRILEEIKGLWRDLNGLVYN-KNLPLSLIKVALNVARASQVYVKHQDQTY--FESVDNYVDAL : 593
1,8-cin : ADDLCTSVESRGDVPKSLQCYNSDYNASAEARKHKWKWLIABVWKMAERVSQDPPFGKDFGCAVDIGRMAQIMYHN-GDGHGTOHEPIIHQOQWTRT : 585
ADDGCTSLDEVERGDVPKSVQCYNNEKNASSEEAAREHVRSLLIDOTWKMNKEMMT--SSFSKYFVOVSANLARNMAQMIYOHESDGFQMGHSLVNMKMLRGL : 585

ger syn : FFTQ : 567
4S-lim : HFEFFA : 599
1,8-cin : LFDRYE : 591

Figure 2